

IDENTIFICATION DU PATIENT

Nom :	Prénom :	ETIQUETTE PATIENT (espace réservé au laboratoire)
Date de naissance :	Sexe : <input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> F	
Adresse complète Rue : Code postal : Ville :		
N° Mutuelle :		ETIQUETTE PATIENT (espace réservé au laboratoire)
N° Matricule :		
Titulaire :		

MEDECIN PRESCRIPTEUR

Nom :	Copie à :
N° INAMI :	
Adresse :	
Téléphone :	Date et signature :

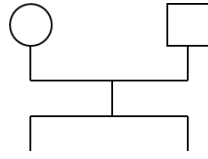
PRELEVEMENT (indiquer clairement le nom, prénom et date de naissance du patient **sur tous les tubes**)

Sang / Tube EDTA 10 mL E (Conservation entre 2 et 8°C)

Date et heure de prélèvement : Date et heure de réception :

DONNEES CLINIQUES (OBLIGATOIRE)

Arbre généalogique



- : Atteint
- : Sain
- ◐◑ : Conducteur
- ↗ : Patient à investiguer

CONTACTS

dispa.genetique@chuliege.be

Oncogénétique Moléculaire Dr Sc. N. LEROI - Dr Sc. J. COUPIER - Dr. E. SEPULCHRE natacha.leroi@chuliege.be e.sepulchre@chuliege.be Secrétariat : 04/323.13.68	Génétique Moléculaire Humaine Pre V. DIDEBERG / Dr Sc. E. CASTERMANS Secrétariat : 04/323.13.68	Génétique clinique Pr V. BOURS - Secrétariat : 04/323.71.24
--	--	--

PREDISPOSITION HEREDITAIRE AU CANCER

INFORMATIONS OBLIGATOIRES :

Diagnostic (2 échantillons indépendants recommandés)

Etude familiale (2 échantillons indépendants **obligatoires**)

Patient: symptomatique asymptomatique

Cas index : Nom : ; Prénom : ; Date de naissance :

Gène: ; Mutation :

Une copie du protocole du cas index est recommandée

Panel de 26 gènes* de prédisposition aux cancers (BRCA1, BRCA2, PALB2, ATM, CHEK2, TP53, BARD1, BRIP1, MLH1, MSH2, MSH6, RAD51C, RAD51D, CDH1, MEN1, PTEN, RAD50, STK11, MTYH, EPCAM, BLM, FAM175A, MRE11A, NBN, XRCC2)

Syndrome HBOC* (13 gènes) (BRCA1, BRCA2, PALB2, ATM, CHEK2, TP53, BARD1, BRIP1, MLH1, MSH2, MSH6, RAD51C, RAD51D)

Panel HNPCC * (MLH1, MSH2, MSH6, EPCAM, MTYH, POLE, POLD1, TP53)

Panel polyposes* (APC, MTYH, BMPR1A, NTHL1, SMAD4, MSH3, POLE, POLD1, PTEN, STK11, GREM1) RNF43

Panel mélanome* (CDKN2A, CDK4, POT1, TERT, TERF2IP, BAP1, MITF)

Syndrome de Cowden* (PTEN)

Syndrome de Peutz-Jeghers* (STK11)

Syndrome de Li Fraumeni* (TP53)

Duplications / délétions de grandes tailles (MLPA):

L'analyse est systématiquement réalisée pour les gènes soulignés. Analyse complémentaire (sur demande):

PTEN STK11 TP53 CDH1 MTYH MLH1/MSH2 MSH6

Autres

DICER1 (cancer de l'ovaire) CDKN2A (cancer du pancréas) HOXB13 (cancer de la prostate)

CDH1 (cancer estomac ou cancer lobulaire du sein)

Adénomes hypophysaires (AIP / MEN1 / CDKN1B / PRKAR1A)

(Prédisposition aux adénomes hypophysaires, néoplasie endocrinienne multiples de type 1 et 4, complexe de Carney, McCune-Albright Syndrome)

Phéochromocytomes / Paragangliomes (SDHA / SDHB / SDHC / SDHD / VHL / RET)

(Phéochromocytomes / paragangliomes héréditaires, néoplasies endocrinienne multiples de type 2, cancer médullaire de la thyroïde, Von Hippel Lindau)

Hyperparathyroïdie primaire (AIP / CDKN1B / MEN1 / PRKAR1A / RET)

AUTRES (prendre contact avec le laboratoire) :

Stockage ADN

* Conseil génétique obligatoire

Etude somatique sur tumeur :

Instabilité des microsatellites

Méthylation du gène MLH1

Mutations somatiques gènes MMR (MLH1—MSH2—MSH6)

BRCA 1/2 !!! Critères !!!

AUTRES (prendre contact avec le laboratoire):
.....

• Données cliniques :

.....

• Références tumeur:

.....

• **Analyse germinale** déjà réalisée: oui non
(si non, prélèvement supplémentaire sang sur EDTA)

CONTACTS

dispa.genetique@chuliege.be

Oncogénétique Moléculaire

Dr Sc. N. LEROI - Dr Sc. J. COUPIER - Dr. E. SEPULCHRE

natacha.leroi@chuliege.be

e.sepulchre@chuliege.be

Secrétariat : 04/323.13.68

Génétique Moléculaire Humaine

Pre V. DIDEBERG / Dr Sc. E. CASTERMANS

Secrétariat : 04/323.13.68

Génétique clinique

Pr V. BOURS -

Secrétariat : 04/323.71.24